

## BIOBASE 製品ラインナップ

### ■総合解析ツール

<b>ExPlain™ + BKL™</b>	網羅的遺伝子・タンパク質発現プロファイルの生物学的解釈用ソフトウェア。当社統合データベース BKL Mammalian が付属。 広範で高品質なデータベースを保有する BIOBASE の総合力が結実。発現プロファイルの下流の影響のみならず、 <b>上流の原因</b> を予測可能。創薬、バイオマーカーの同定、生理現象の背後のシグナル経路の解明等に効果的。
------------------------	--

### ■シミュレーションツール

<b>Cell Illustrator Online® (CIO)</b>	描画解析ソフト。生物システムをモデル化し、シミュレーションできる画期的ツール。TRANSPATH のパスウェイ情報をインポート可能。
---------------------------------------	--

### ■データベース: BKL (BIOBASE Knowledge Library) ★当社データベースの総称

#### ヒト・マウス・ラット

<b>BKL Mammalian™</b>	転写因子、パスウェイ、タンパク質の機能の情報を収載した統合データベース。各エキスパートによって手動で分類・整理された、膨大で信頼性の高いキュレーション情報満載。通常、年4回更新される生物学情報。Proteome は最短で2週間毎に更新。
・ <b>TRANSFAC Suite™</b>	転写因子関連の世界最大のデータベース。コンピュータでの新規認識配列予測に不可欠のツール。世界中の研究者に支持され、数多くの科学論文で引用されるデータベース。
・ <b>TRANSPATH™</b>	ヒト・マウス・ラットの10万以上のシグナル伝達と代謝経路に関する情報とパスウェイ解析。
・ <b>PROTEOME™</b>	PROTEOME Suite として、哺乳類、酵母、線虫の全タンパク質情報のパッケージあり。
・ <b>HumanPSD™</b>	ヒト疾患情報を充実させたヒト・マウス・ラットのタンパク質機能のデータベース。
・ <b>GPCR-PD™</b>	創薬ターゲットとして注目される G タンパク質共役型受容体 にフォーカスしたデータベース。

#### ヒト疾患関連データベース

<b>HGMD™ Professional</b>	ヒト遺伝性疾患の原因となる核遺伝子変異情報の網羅的データベース。James D. Watson 博士のゲノム解析にも利用された著名データベース（ウエールズ・カーディフ大学製）。
---------------------------	--

#### 植物

<b>BKL Plant™</b>	植物版 BKL データベース。
<b>ExPlain Plant™</b>	植物版 ExPlain。BKL Plant も利用可能。

#### 酵母

<b>BKL Yeast™</b>	出芽・分裂酵母およびヒト病原菌に関する情報のパッケージ。
・ <b>PROTEOME YPD™</b>	出芽酵母タンパク質情報。
・ <b>PROTEOME PombePD™</b>	分裂酵母タンパク質情報。
・ <b>PROTEOME MycopathPD™</b>	ヒト18種の病原菌のタンパク質情報。

#### 線虫

<b>PROTEOME WormPD™</b>	線虫タンパク質の情報。
-------------------------	-------------

### BIOBASE 受託解析

★当社専門家の豊富な経験と知識をリーズナブルな価格で提供

◆ ExPlain™を用いて網羅的遺伝子発現プロファイルを解析(システムを知り尽くした専門家による詳細な受託解析)

◆ Cell Illustrator Online® での生物システムのモデル化とシミュレーションのお手伝い

◆ カスタムデータベース作製 (高品質と低価格を実現)